Федеральное государственное бюджетное образовательное учреждение высшего образования «Алтайский государственный медицинский университет» Министерства здравоохранения Российской Федерации

Докладчик: Суворова А.В.
студентка 6 курса ИП,
ФГБОУ ВО АГМУ
Минздрава России

Руководитель: Малюга О.М. к.м.н., доцент
кафедры факультетской педиатрии
ФГБОУ ВО АГМУ Минздрава России,
врач-педиатр высшей квалификационной категории

Структура микрофлоры рото- и носоглотки у детей с паллиативным статусом

Цель исследования

Оценить структуру и свойства микрофлоры рото- и носоглотки у детей с паллиативным статусом

39 Пациентов | 25 Мальчиков | 14 Девочек | 3 Года наблюдения

Задачи

01 Проанализировать структуру микрофлоры рото- и носоглотки

02 Дать характеристику антибиотикорезистентности выявленных штаммов

Определение чувствительности к антибиотикам



K. pneumoniae, имела абсолютную резистентность к антибактериальным препаратам из групп: карбапенемов, фторхинолонов, аминогликозидов, защищённым пенициллинам, цефалоспоринам



Резистентность у P. aeruginosa отсутствовала к аминогликозидам



C.striatum была резистентна к: карбапенемам, фторхинолонам, аминогликозидам, защищённым пенициллинам, цефалоспоринам, однако в 100 % случаев чувствительна к гентамицину



S. marcescens в 50% процентов мазков показала чувствительность к фторхинолонам, амикацину, и в 100% к гентамицину



E. coli показала чувствительность к карбапенемам, фторхинолонам, амикацину и гентамицину



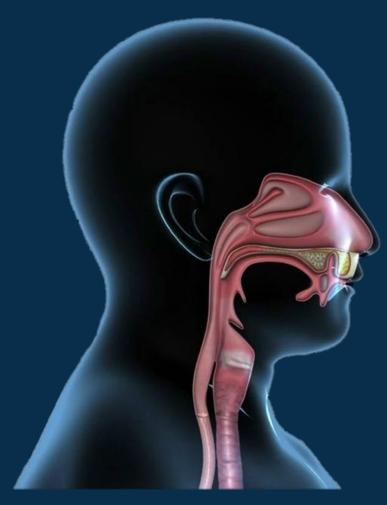
S. aureus в нашем исследовании показал только формирующуюся резистентность

Ротоглотка

Возбудители	%
Staphylococcus aureus (S. aureus)	19,4
Streptococcus viridans (S. viridans)	19,4
Pseudomonas aeruginosa (P. aeruginosa)	16,1
Klebsiella pneumoniae (K. pneumoniae)	9,7
Staphylococcus epidermidis (S. epidermidis)	9,7
Neisseria spp.	9,7
Corynebacterium striatum (C. striatum)	6,5
Candida albicans (C. albicans)	6,5
Staphylococcus hominis (S. hominis)	3,2
Escherichia coli (E. coli)	3,2
Klebsiella aerogenes (K. aerogenes)	3,2

Носоглотка

Возбудитель	%
Staphylococcus epidermidis (S. epidermidis)	25
Pseudomonas aeruginosa (P. aeruginosa)	25
Staphylococcus aureus (S. aureus)	18,8
Corynebacterium striatum (C. striatum)	12,6
Streptococcus viridans (S. viridans)	6,3
Klebsiella pneumoniae (K. pneumoniae)	6,3
Serratia marcescens (S. marcescens)	6,3



Выводы

Условно-патогенная флора

Выявлены условно-патогенные грамм отрицательные и грамм положительные микроорганизмы (S.aureus, S.viridans, P.aeruginosa, K. pneumonia, S.epidermidis, Neisseria spp., C.striatum, C.albicans, S.hominis, E. coli, K.aerogenes).

Антибиотикорезистентность

Антибиотикорезистентность имеет неоднородность к проанализированным группам и поколениям антибиотиков (карбапенемы, фторхинолоны, аминогликозиды, пенициллины, цефалоспорины, монобактамы, макролиды, линкозамиды, оксазолидиноны). Наибольшей резистентностью обладала K. pneumoniae, наименьшей E. coli и S. aureus (имеет различную степень выраженности резистентности, что может говорить о ее формировании).